

MENETELMÄMUUTOS ”YLEISBAKTEERI-PCR” –TUTKIMUKSESSA

Bakteeri-PCR –tutkimuksen (BaktNhO, atk nro 4381) menetelmä muuttuu niin, että samasta näytteestä voidaan tunnistaa useita eri bakteerilajeja.

Bakteeri-PCR –tutkimuksessa monistetaan näytteessä olevaa bakteeriperäistä 16S rRNA –geeniä. Monistetun geenin DNA-sekvenssin perusteella voidaan tunnistaa, mistä bakteerista on kysymys. Aikaisemmin bakteerin nimeäminen on ollut mahdollista vain näytteistä, jotka ovat sisältäneet ainoastaan yhtä bakteerilajia. Jos näytteessä on ollut useita bakteerilajeja, on pystytty vastaamaan vain, että näyte sisältää bakteereja, mutta niitä ei ole pystytty tarkemmin tunnistamaan.

Uuden menetelmän avulla näytteestä pystytään erottelemaan 3-4 eri bakteerilajia. Näin ollen menetelmä soveltuu entistä paremmin sellaisille periaatteessa steriilin alueen näytteille, joissa monibakteriaalinen etiologia on todennäköinen (esimerkiksi erilaiset syvät abskessit). Jos näytteessä on 3-4 bakteerilajia, ne saadaan todennäköisesti kaikki nimettyä. Jos näytteessä on yli 4 bakteerilajia, nimi saadaan todennäköisesti 1-2 lajille, joita näytteessä on runsaimmin. Näin ollen tutkimus ei edelleenkään sovellu näytteisiin, joissa on runsas normaalimikrobisto.

Tutkimus alihankitaan UTULabista. Lisätietoja antaa erikoislääkäri Kaisu Rantakokko-Jalava, puh. 313 3946.

Paula Grönroos
johtaja
TYKSLAB

Olli Meurman
ylilääkäri
TYKSLAB

Jakelu: VSSHPOsastonsihteerit; VSSHPOsastonhoitajat; ylilääkärien sihteerit; lääkärit; asiakaslaboratoriot; TKS-jakelu (Pegasos-pääkäyttäjien kautta): C-S + Lääkärit, C-A + Lääkärit, C-PSY, C-VTP, terveysasemat